

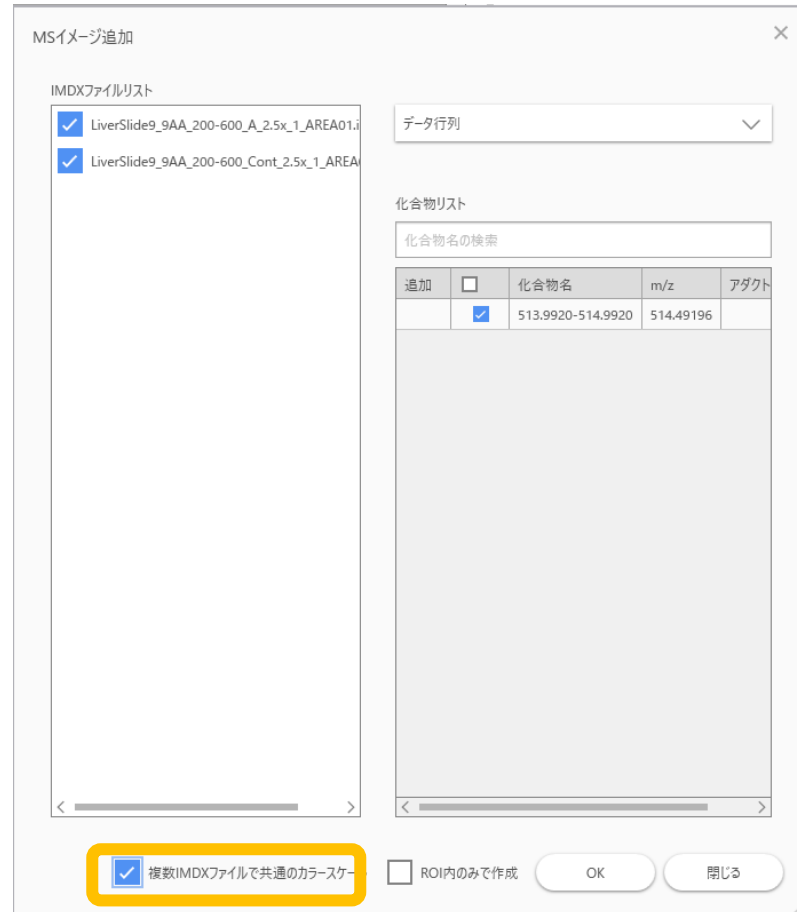
共通のカラーバーを複数
のイメージに用いたい

二つの方法があります

1. カラーバーが共通の画像を作成する
2. 選択した画像のカラーバーを共通にする

1. カラーバーが共通の画像を
作成する

“MSイメージ追加”の状態で“複数IMDXファイルで共通のカラーバー”を選択



共通のカラーバーで画像が追加される

The screenshot displays the IMAGEREVEAL software interface with several panels:

- ROIリスト (ROI List):** A table listing two ROI entries, both named "Liver_Slide..." and categorized as "tumor".
- データ行列テーブル (Data Matrix Table):** A table with columns for No., 使用 (checked), タグ, ラベル, m/z, PCA-水平軸, and PCA-垂直軸. It lists 15 data points for m/z values ranging from 199.9920 to 215.4920.
- MSイメージ (MS Image):** A large heatmap showing intensity distribution. A color bar on the right indicates the m/z range: 514.49196 ± 0.5000. Metadata includes: 化合物名/コメント: 513.9920-514.9920, ファイル名: Liver_Slide9_9AA_200-600_Cont_2.5x_1_AEA01.imdx, タイプ: データ行列.
- グラフ (Graph):** A mass spectrum plot titled "Liver_Slide9_9AA_200-600_Cont_2.5x_1". The x-axis is m/z (200-600) and the y-axis is Intensity (0E+00 to 2E+06). Key peaks are labeled with their m/z values: 273.039, 290.037, 221.053, 174.039, 386.140, 371.135, 450.116, 514.282, and 586.293.
- MSイメージ一覧 (MS Image List):** A smaller view showing two MS images side-by-side, both with the same color scale. A green box highlights this area.
- 解析パラメータ (Analysis Parameters):** A table with 9 rows detailing parameters like normalization, m/z range, and labeling.

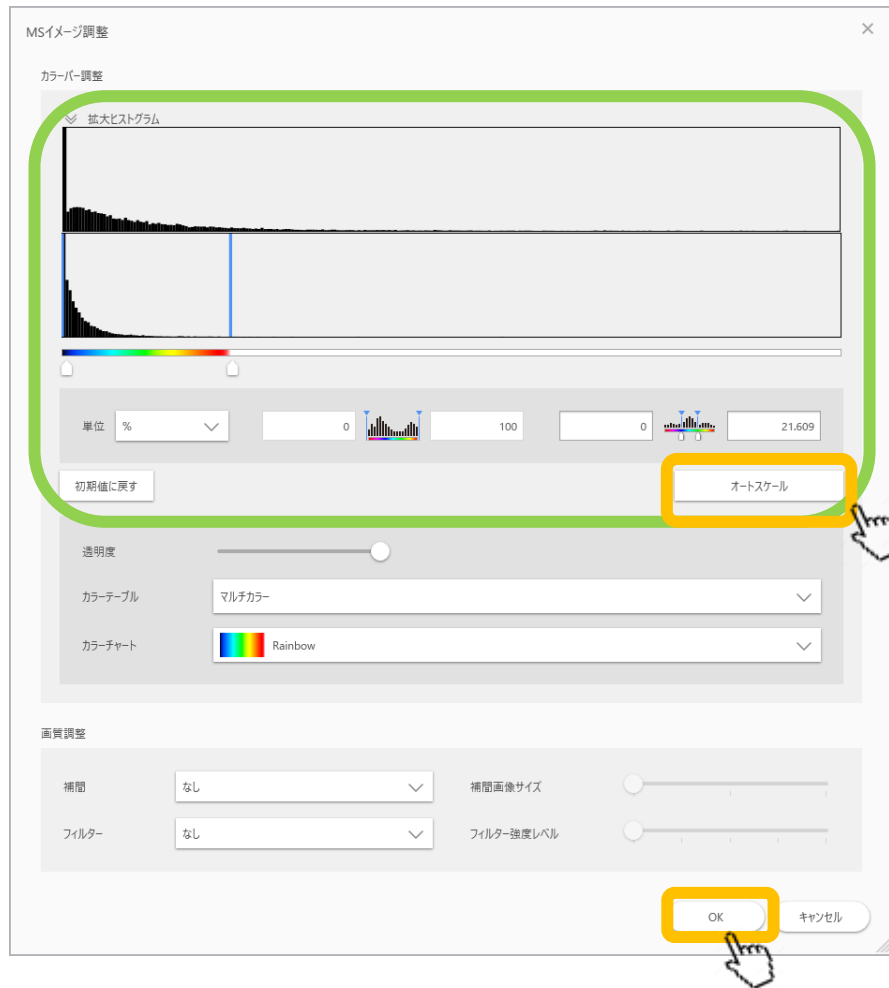
2. 表示されている画像のカラーバーを共通にする

比較する画像のカラーバーを合わせる

The screenshot displays the IMAGEREVEAL software interface with several panels:

- ROIリスト (ROI List):** A table listing two ROIs for 'Liver_Slide...' with 'All' as the ROI name and 'tumor' as the attribute.
- データ行列テーブル (Data Matrix Table):** A table with columns: No., 使用 (checked), タグ, ラベル, m/z, PCA-水平軸, and PCA-垂直軸. It lists 16 rows of data points.
- MSイメージ (MS Image):** A large heatmap image of a liver section with a 500 μm scale bar. Metadata on the right includes: m/z許容幅: 514.49196±0.5000, 化合物名/コメント: 513.9920-514.9920, ファイル名: Liver_Slide9_9AA_200-600_Cont_2_5x_1_AREAO1.indx, タイプ: データ行列.
- グラフ (Graph):** A mass spectrum plot showing intensity vs m/z. The x-axis ranges from 200 to 600. Major peaks are labeled at m/z 273.039, 230.037, 221.053, 374.039, 386.140, 371.185, 450.116, 514.282, and 536.293.
- MSイメージ一覧 (MS Image List):** A window showing two MS images side-by-side for comparison. A hand icon points to the gear icon (②歯車ボタンを押す) in the toolbar. A green box highlights the two images, and a grey box at the bottom contains the text ①カラーバーを合わせたい画像を選択.

複数データを合わせたヒストグラムの”カラーバー調整”が表示される



[オートスケール]を押すとカラーバーの信号強度設定も再計算されなおします。

OKを押すと選択した画像が同一の設定で表示されます。
必要があれば数値を変更してください。

複数の画像に共通のカラーバーが適用される

The screenshot displays the IMAGEREVEAL software interface with several panels:

- ROIリスト (ROI List):** A table listing two ROIs for 'Liver_Slide...' files, both with 'tumor' attributes.
- データ行列テーブル (Data Matrix Table):** A table with columns for No., 使用 (checked), タグ, ラベル, m/z, PCA-水平軸, and PCA-垂直軸. It lists 16 data points with their respective m/z values and PCA coordinates.
- MSイメージ (MS Image):** A large heatmap showing signal intensity across a tissue section. A color bar on the right indicates the intensity scale. Metadata on the right includes m/z許容幅 (514.49196±0.5000), 化合物名/コメント (513.9920-514.9920), and ファイル名 (Liver_Slide9_9AA_200-600_Cont_2.5x_1_AEA01.imdx).
- グラフ (Graph):** A mass spectrum plot showing Intensity vs. m/z. A text box highlights that the signal intensity on the left side is low: **このデータの場合、左側のデータの信号強度が低いと分かります。**
- 解析パラメータ (Analysis Parameters):** A table for TIC (Total Ion Chromatogram) parameters, including normalization and data processing settings.
- 比較画像 (Comparison Images):** Two smaller MS images side-by-side, with a green box highlighting the color bar and intensity scale.

元に戻したい場合は、[初期値に戻す]を
押す

