

ROI内のデータ点数（面積）を知りたい

ROIに含まれるデータ点の数の表示

The screenshot displays the IMAGEREVEAL software interface. The main window is divided into several panels:

- ROIリスト (ROI List):** A table listing 16 ROIs. The 'データ点数' (Data Points) column is highlighted with a green box. A callout box points to this column with the text: "ここに各データ点数が表示されます" (Data points for each ROI are displayed here).
- データ行列テーブル (Data Matrix Table):** A table showing 17 rows of data with columns for 'No.', '使用' (Use), 'タグ' (Tag), 'ラベル' (Label), 'm/z', and 'PCA-水平軸' (PCA Horizontal Axis).
- MSイメージ (MS Image):** A mass spectrum image showing a red and white pattern. 15 ROIs are marked with colored circles and labeled (ROI001 to ROI015). A 250 μm scale bar is visible in the bottom right.
- ROI平均 (ROI Average):** A panel for calculating averages for all ROIs, with a 'ピークピッキング' (Peak Picking) button.
- MSイメージ一覧 (MS Image List):** A panel showing a list of MS images and their corresponding spectra. The spectra are labeled with EXP = ((A+B)/C) and various m/z ranges.
- 解析パラメータ (Analysis Parameters):** A table at the bottom left showing parameters like 'No.', 'Name', and 'Value'.

右クリックで[ファイルパラメータ表示]

The screenshot displays the IMAGEREVEAL software interface. The main window is titled "差異解析 | C:\Users\yamac\Dropbox (Shimadzu)\Yamaguchi_data\demo_data_etc\DemoData\Project\Testicle_PCA.rpf - IMAGEREVEAL".

The interface is divided into several panels:

- ROIリスト (ROI List):** A table listing 16 ROIs. ROI007 is selected, and a context menu is open over it.
- データ行列テーブル (Data Table):** A table showing data points for the selected ROI007.
- MSイメージ (MS Image):** A mass spectrometry image showing the spatial distribution of ions, with ROI007 highlighted in green.

The context menu for ROI007 includes the following options:

- ファイルパラメータ表示... (File Parameters Display...)
- IMDXファイルの削除 (Delete IMDX File)
- コピー (Copy) - Ctrl+C
- すべて選択 (Select All) - Ctrl+A
- データ行列をエクスポート... (Export Data Table...)

The data table below shows the following data points:

No.	使用	タグ	ラベル	m/z	PCA-水平軸
			PCA-水平軸		
			PCA-垂直軸		
1	✓		699.9849-700.1849	700.0849	8.173e-003
2	✓		700.1849-700.3849	700.2849	-5.468e-003
3	✓		700.3849-700.5849	700.4849	2.066e-002
4	✓		700.5849-700.7849	700.6849	1.288e-002
5	✓		700.7849-700.9849	700.8849	-4.747e-003
6	✓		700.9849-701.1849	701.0849	-1.655e-003
7	✓		701.1849-701.3849	701.2849	-1.337e-003
8	✓		701.3849-701.5849	701.4849	-2.020e-002
9	✓		701.5849-701.7849	701.6849	-9.843e-004
10	✓		701.7849-701.9849	701.8849	-2.158e-003
11	✓		701.9849-702.1849	702.0849	-1.108e-002
12	✓		702.1849-702.3849	702.2849	4.834e-003
13	✓		702.3849-702.5849	702.4849	-1.012e-002
14	✓		702.5849-702.7849	702.6849	1.199e-003
15	✓		702.7849-702.9849	702.8849	-4.110e-004
16	✓		702.9849-703.1849	703.0849	-2.405e-003
17	✓		703.1849-703.3849	703.2849	-7.568e-003

[ピッチ]の情報が表示されます。

ファイルパラメータ

IMDXファイルリスト

Testicle_9AA_PI_SL_5x_1_AREA01.imdx

ファイルパス

C:\Users\yamac\Dropbox (Shimadzu)\Yamaguchi_data\demo_data_etc\DemoData\IMDX\Testicle_9AA_PI_SL_5x_1_AREA01.imdx

ファイルバージョン Version 1.00.00

測定パラメータ

No.	Name	Value
4	サンプルID/サンプル名	Testicle_9AA_PI_SL
5	前処理	Sublimation
6	マトリックス	9-AA
7	コメント	
8	検体採取日	
9	動物種	
10	年齢	
11	性別	
12	器官/臓器	
13	細胞	
14	領域No	1
15	ピッチ X	10.0[um]
16	ピッチ Y	10.0[um]
17	極性	ネガティブ
18	開始m/z	699.98492

変換パラメータ

No.	Name	Value
1	入力データタイプ	KBD
2	出力データタイプ	プロファイル
3	元ファイル名	Testicle_9AA_PI
4	参照画像ファイル名	
5	元ファイルの開始m/z	699.98492
6	元ファイルの終了m/z	900.01906
7	ノイズカットしきい値	
8	ピンサイズ	
9	サンプリング間隔/ピーク幅	
10	サンプリングレートタイプ	

ファイルログ

日時	変更内容
----	------